

FOBIA 2006 (2. ročník)

31.3.-1.4. 2006, Telč

Sborník ke stažení [[PDF](#)]

Program konference

Pátek 31. 3. 2006

10:30 Zahájení

10:35 - 12:00 ITI - ANF DATA studentská mini-konference

- 10:35 Radka Vařeková (ANF DATA, Brno)
Vyhledávání biologicky významných motivů v molekulách léků
- 10:45 Hana Šustrová (FI MU, Brno)
Vyhledávání spojených motivů na povrchu molekul proteinů
- 11:00 Zuzana Jiroušková (FI MU, Brno)
Vyhledávání nespojitých motivů na povrchu molekul proteinů
- 11:15 Ivana Rudolfová (FIT VUT, Brno)
Vztah mezi lokální sekvencí a strukturou proteinu
- 11:30 Antonín Pavelka (FI MU, Brno)
Funkční anotace fragmentů proteinů
- 11:45 Vojtěch Bystrý (FI MU, Brno)
Hledání častých fragmentů v biomolekulách

12:00 - 13:30 Oběd (individuálně), distribuce materiálů, ubytování

13:30 - 15:00 Blok 1

- 13:30 Daniel Svozil (ÚOCHB AV ČR, Praha)
DNA Conformational Families
- 13:50 Bohdan Schneider (ÚOCHB AV ČR, Praha)
Strukturní bioinformatika nukleových kyselin na UOCHB AV ČR
- 14:10 Radek Zíka (ÚMG AV ČR, Praha)
Substituční modely: teorie, implementace a využití
- 14:30 Martin Mokrejš (PřF UK, Praha)
IRESite database (www.iresite.org) as a curated resource of experimental data: What did we learn during the first 2 years of its existence?

15:00 - 15:40 Přestávka

15:40 - 17:30 Blok 2

- 15:40 Radka Storchová, Petr Divina (ÚMG AV ČR, Praha)
Evoluce pohlavních chromozómů
- 16:00 Eva Chovancová (PřF MU, Brno)
Fylogenetická analýza halogenalkandehalogenáz
- 16:20 Matej Lexa (FI MU, Brno)
O podobnosti hmotnostných spektier
- 16:40 Fatima Cvrčková (PřF UK, Praha)
Bioinformatické zdroje pro jeden užitečný plevel (aneb proč je dobré pracovat na Arabidopsis)

17:30 - 19:00 Volejbal: InSilico - Rest of the world

19:30 Večeře v restauraci "U Marušky" (Palackého 28), skupinová diskuse a zábava

Sobota 1. 4. 2006

08:00 - 09:10 Snídaně ve Vzdělávacím a konferenčním centru MŠ MT ČR (Kypťovo nám.)

09:10 - 10:10 Blok 3

09:10 Luboš Klučár (ÚMB SAV, Bratislava)

Anotácia genomu bakteriofága BFK20

09:30 Eva Gelnarová (CBA MU, Brno)

Nová metoda pro detekci zlomových bodů a počtu změn v kopiích genů v CGH array datech

09:50 Petr Lidman (CBA MU, Brno)

Projekt EMIL: návrh a implementace inteligentního asistenta pro analýzu dat microarrays

10:10 - 10:30 Přestávka

10:30 - 11:20 Blok 4

10:30 Peter Šebo (MBÚ AV ČR, Praha)

Nový bioinformatický projekt Biotechnologického ústavu AV ČR

10:50 Karol Kružel, Jan Slaninka (FI MU, Brno)

Vyhledávání shodných molekul v databázích léků

11:05 Peter Kabát (FI MU, Brno)

Vyhledávání podobných molekul v databázích léků

11:20 - 11:30 Ukončení